

1

CARYOTYPE

Enregistrement
prélèvement dans SIL
(defgen) + analyses
avec différents temps
de culture...

De defgen, envoi données patients + prélèvements vers metasystems (IKAROS, ISIS)

Création étiquette avec code Barre

+ création d'un fichier .CIF contenant ses différentes informations permettant de liaison entre code barre + dossier patient:

```
$E9E1F225 (03/05/24)
000000000000000000000000
PAT_NBR=3340841
PAT_FST_NAME=xxx
PAT_LST_NAME=xxxx
PAT_BIRTHDATE=$77DB7F00 (20/09/63)
SPECIMEN_TYPE=Biopsie
SAMPLE=$E9DFF900 (02/05/24)
```

2

Chercheur de
métaphase
(Metafer)

- * Recherche de métaphase avec objectif X10
- * création des galeries
- * Auto capt à l'objectif X63 ave huile des métaphases choisies

Envoi fichiers des images sur serveur spécifique metasystems

3



Caryotypage
(IKAROS)



Export via IKAROS vers serveur intermédiaire de différentes données:

- Récupération temps de culture
- Type de banding
- Le nombre de métaphases (nombre de métaphases totales, nombre de métaphases comptées + nombre de métaphases caryotypées)



Envoi fichiers des images sur serveur spécifique metasystems

4



Depuis le SIL (defgen),
récupération des images de
caryotypes sous forme de
fichiers .JPEG + données (tps
culture, banding....)

*Pour FISH sur Métaphases

FISH

1

Enregistrement du
prélèvement dans SIL
(defgen) + analyses
avec différents temps
de culture...



Depuis defgen, envoi données patients + prélèvements vers metasystems (IKAROS, ISIS)



Création étiquette avec code Barre

+ création d'un fichier .CIF contenant ses différentes informations permettant de liaison entre code barre + dossier patient:

```
$E9E1F225 (03/05/24)
00000000000000000000000000000000
PAT_NBR=3340841
PAT_FST_NAME=xxx
PAT_LST_NAME=xxxx
PAT_BIRTHDATE=$77DB7F00 (20/09/63)
SPECIMEN_TYPE=Biopsie
SAMPLE=$E9DFF900 (02/05/24)
```



2

Chercheur de
métaphase
(Metafer)

*Recherche de métaphase en fluorescence avec objectif X10

*création des galeries



Envoi fichiers des images sur serveur spécifique metasystems

3



Sur microscope délocalisé : lecture de la FISH à partir des galeries de métaphases établies par le chercheur, relocalisation capture des images et analyse manuelles en Fluo à X63 ou 100 avec huile



Export manuel via ISIS vers serveur intermédiaire des images de FISH



Envoi fichier des images sur serveur spécifique metasytems

4



Depuis le SIL (defgen), récupération des images de FISH sous forme de fichiers .JPEG

*Pour FISH sur Noyaux interphasiques

1

Enregistrement
prélèvement dans SIL
(defgen) + analyses
avec différents temps
de culture...



Depuis defgen, envoi données patients + prélèvements vers metasystems (IKAROS, ISIS)



Création étiquette sans code barre



2

Sur microscope délocalisé
(ISIS), lecture de la FISH en
manuel, mise au point à
X10 ou X40 pour chercher
les clones, puis capture et
analyse manuelles Fluo à
X63 ou 100 avec huile



Export via ISIS vers serveur intermédiaire
des images de FISH

3



Envoi fichier des images sur serveur spécifique metasystems



Depuis le SIL (defgen), récupération
des images de FISH sous forme de
fichiers .JPEG